

Nom :

Prénom :

Cocher la (les) proposition(s) que vous jugez exacte(s). Une réponse fausse annule une réponse juste

1-/ Concernant les glucides:

- A. Le D-fructose et le L-fructose sont des isomères de position
- B. Le D-fructose et parfois appelé Lévuiose
- C. Un cétohexose possède 4 fonctions alcools secondaires
- D. Un cétohexose cyclisé renferme une fonction hémiacétalique sur le carbone 2
- E. La mutarotation est due à l'interconversion des deux anomères α et β .
- F. Le α -D-galactopyranose est plus stable que le β -D-galactopyranose
- G. Le mannitol est une molécule achirale ne présentant pas d'activité optique
- H. La nomenclature du saccharose est: D-Fructofuranosyl- β -(2 \leftrightarrow 1)- α -D-Glucopyranoside
- I. La nomenclature du saccharose est: D-Glucopyranosyl- α -(1 \leftrightarrow 2)- β -D-Fructofuranose
- J. La nomenclature du lactose est: D-Galactopyranosyl- α -(1 \rightarrow 4)-D-glucopyranose
- K. Le glycogène libère par phosphoryse des unités de glucose-1-phosphate
- L. Le glycogène libère sous l'action de l'enzyme débranchante des unités de glucose 1- phosphate
- M. Le glycogène, molécule très ramifiée, comporte plusieurs extrémités réductrices
- N. L' α -amylase et une endoglycosidase pancréatique
- O. L'unité disaccharidique D-GlcUa β (1 \rightarrow 3) β -D-GalNac-4-sulfate appartient à l'acide hyaluronique
- P. L'unité disaccharidique du kératane sulfate de comprends pas l'acide uronique
- Q. L'acide hyaluronique de comporte pas de groupement sulfaté
- R. La partie glucidique des protéines N-glycosylées comporte souvent un noyau Glc(2) Man(3)
- S. Dans les protéines N-glycosylées le glucide se fixe souvent au résidu ser ou thr de la protéine
- T. Glycation et glycosylation des protéines ont lieu grâce à l'intervention de plusieurs enzymes

2-/ Concernant les lipides:

- A. La géométrie des doubles liaisons des AG naturels est généralement trans
- B. L'AG suivant : C18:3 $\Delta^{9,12,15}$ est bio synthétiser à partir de l'acide linoléique
- C. Le DHA (acide docosahexaénoïque) est bio synthétisé à partir de l'acide alpha-linoléique
- D. L'acide arachidonique est le premier précurseur majeur des eicosanoides
- E. Les AG saturés sont plus résistants à l'oxydation à l'air que les AG polyinsaturés
- F. Le 1-stéaryl-2-oléyl-3-palmityl glycérol est un lipide de réserve
- G. À partir de 1-linoléyl-2- α -linolényl-3-phosphatidylcholine, la PLC détache la choline
- H. À partir de ce même lipide, la PLA1 détache l'acide gras précurseur de l'acide arachidonique
- I. À partir de ce même lipide la PLA2 conduit un lysophospholipide et un acide gras de la famille ω 3
- J. Les phospholipides sont des lipides de structure
- K. La sphingomyéline est un lipide de réserve énergétique
- L. La sphingomyéline diffère de la phosphatidylcholine par sa partie polaire
- M. Les céramides sont constituées par une sphingosine estérifiée par un acide gras
- N. Les glycolipides sont des phospholipides de structure
- O. Les gangliosides peuvent renfermer un ou plusieurs acides sialiques dans leur molécule
- P. Les gangliosides se situent dans le feuillet interne de la membrane plasmique
- Q. La nomenclature d'un ganglioside qui comporte trois acides sialiques et 4 oses neutres est GTI
- R. Les plasmalogènes sont des glycophospholipides de structure insensible à la PLA2
- S. Dans la représentation tridimensionnelle du cholestérol, les 4 noyaux sont en position cis
- T. Le cholestérol estérifié est un constituant important des membranes plasmique

3-/ Concernant les acides aminés:

- A. Le peptide suivant: Gly-Lys-Val-Trp-Ala-Ser présente une charge globale positive à pH=7
- B. Il est phosphorylable par une enzyme kinase
- C. La liaison peptidique est une liaison ester particulière
- D. Pour des raisons stériques la configuration adoptée par la liaison peptidique est cis
- E. Le β -mercaptoéthanol (agent dénaturant) provoque la rupture de la liaison peptidique
- F. L'hélice α est stabilisée par des liaisons hydrogène établies entre les chaînes latérales des acides aminés
- G. L'hélice α la plus courante est une hélice $3,6_{13}$
- H. Les feuillets β parallèles sont plus stables que les feuillets β antiparallèles
- I. HbA (α_2, β_2) comporte deux chaînes α riche en hélice α et 2 chaînes β riche en feuillet β
- J. Les 4 chaînes de l'Hb sont maintenues ensemble par des liaisons disulfures
- K. Le 2,3-BPG en se liant à l'Hb diminue l'affinité de celle-ci pour l'oxygène
- L. Quatre molécules de 2,3-BPG peuvent se lier à une molécule d'Hb
- M. Dans l'Hb, l'hème se fixe à la globine grâce au fer qui se lie par coordination à l'azote de His E7
- N. l'hème de l'Hb correspond à la protoporphyrine IX lié à un atome de Fe^{2+} par coordination

4-/ Concernant les enzymes:

- A. Le site catalytique et le site de fixation constituent le site actif comportant quelques aa seulement
- B. Une enzyme augmente l'énergie d'activation (E_A) de la réaction qu'elle catalyse
- C. Une enzyme modifie l'état d'équilibre de la réaction qu'elle catalyse
- D. La fixation du substrat sur l'enzyme est une fixation irréversible
- E. La V_m de l'enzyme est atteinte lorsque toutes les molécules d'enzymes sont liées au substrat
- F. La valeur de K_m est fonction de la concentration du substrat
- G. Les zymogènes (pro enzymes) sont synthétisés à l'état inactif
- H. Les isoenzymes catalysent des réactions identiques mais ont des localisations différentes
- I. L'inhibiteur non compétitif provoque une augmentation de la K_m
- J. L'inhibition compétitive est caractérisée par l'absence du complexe ternaire ESI
- K. L'inhibition compétitive est caractérisée par une diminution de la concentration maximale de ES
- L. L'inhibition incompétitive est caractérisée par une diminution de l'affinité de E pour S

5-/ Concernant la régulation de l'activité enzymatique:

Soient 3 enzymes différentes: E1, E2 et E3 activables dans les conditions suivantes:

- a- activation de E1 s'accompagne d'une modification non covalente de sa conformation
- b- L'activation de E2 s'accompagne d'une modification covalente irréversible avec diminution de son poids moléculaire
- c- L'activation de E3 est supprimée en présence d'une phosphatase

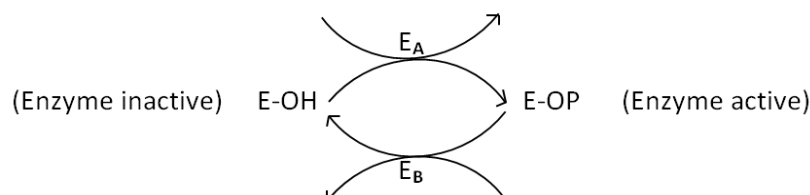
Attribuer à chaque enzyme son mode d'activation: activation par phosphorylation, activation par protéolyse limitée ou activation allostérique

E1 :

E2 :

E3 :

Compléter le schéma suivant qui illustre un des trois modes de régulation évoquée ci-dessus



$E_A = ?$

$E_B = ?$

Corrigé Type

Les Glucides	A-B-D-E-H-K-N-P-Q-R	5 pts
Les Lipides	B-C-D-E-F-H-I-J-O-Q	5 pts
Les Protéines	A-B-G-K-N	5 pts
LES ENZYMES	A-E-G-H-J	2,5 pts

Correction : Les Glucides :

- C. Un cétohexose possède **3** fonctions alcools secondaires
- F. Le **β -D-galactopyranose** est **plus stable que** le **α -D-galactopyranose**
- G. Le mannitol est une molécule **chirale** ne présentant pas d'activité optique
- I. La nomenclature du saccharose est: D-Glucopyranosyl- α -(1 \leftrightarrow 2)- β -D-Fructofuranoside
- J. La nomenclature du lactose est: D-Galactopyranosyl- **β -(1 \rightarrow 4)-D-glucopyranose**
- L. Le glycogène libère sous l'action de l'enzyme débranchante des unités de **glucose**
- M. Le glycogène molécule très ramifiée comporte **1 seule** extrémité réductrice
- O. L'unité disaccharidique D-GlcUa β (1 \rightarrow 3) β -D-GalNac-4-sulfate **n'appartient pas** à l'acide hyaluronique
- S. Dans les protéines N-glycosylées le glucide se fixe souvent au résidu **ASN** de la protéine
- T. **Sauf la glycosylation** des protéines a lieu grâce à l'intervention de plusieurs enzymes

Correction : Les lipides :

- A. La géométrie des doubles liaisons des AG naturels est généralement **cis**
- G. À partir de 1-linoléyl-2- α -linolényl-3-phosphatidylcholine, la PLC détache la **phosphorylcholine**
- K. La sphingomyéline est un **lipide de structure**
- L. La sphingomyéline **ne diffère pas** de la phosphatidylcholine par sa partie polaire
- M. Les céramides sont constituées par une sphingosine **amidifiée** par un acide gras
- N. Les glycolipides **ne sont pas des phospholipides**
- P. Les gangliosides se situent dans le feuillet **externe** de la membrane plasmique
- R. Les plasmalogènes sont des glycophospholipides de structure **indispensables** à la **PLA1**
- S. Dans la représentation tridimensionnelle du cholestérol, les 4 noyaux sont en position **trans**
- T. Le cholestérol **libre** est un constituant important des membranes plasmique

Correction : Les acides aminés :

- C. La liaison peptidique est une liaison **amide** particulière
- D. Pour des raisons stériques la configuration adoptée par la liaison peptidique est **trans**
- E. Le β -mercaptoéthanol (agent dénaturant) provoque la rupture de **ponts disulfures**
- F. L'hélice α est stabilisée par des liaisons hydrogène **formées entre chaque groupe N-H de la chaîne principale avec le groupe C=O de la chaîne principale du quatrième acide aminé le précédant.**
- H. Les feuillets β **antiparallèles** sont **plus stables** que les feuillets β parallèles
- I. HbA (α 2, β 2) **est constituée de deux sous-unités α et deux sous-unités β**
- J. Les 4 chaînes de l'Hb sont maintenues ensemble par des liaisons **covalentes**
- L. Quatre molécules de 2,3-BPG peuvent se lier à une molécule d'Hb (**c'est faux**)
- M. Dans l'Hb, l'hème se fixe à la globine grâce au fer qui se lie par coordination à l'azote de **His F2**

Correction : Les enzymes :

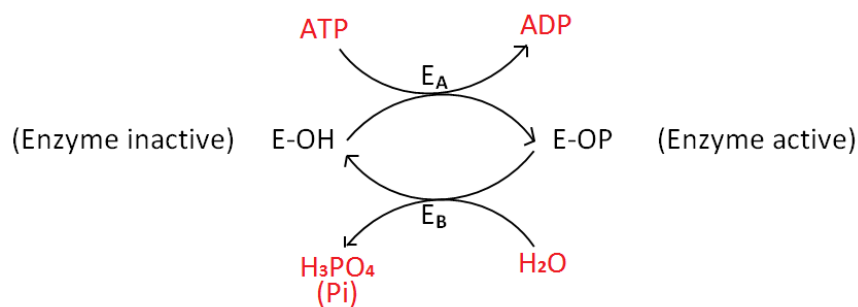
- B. Une enzyme **diminue** l'énergie d'activation (EA) de la réaction qu'elle catalyse
- C. Une enzyme **ne modifie pas** l'état d'équilibre de la réaction qu'elle catalyse
- D. La fixation du substrat sur l'enzyme est une fixation **réversible**
- F. La valeur de K_m est **indépendante** de la concentration du substrat
- I. L'inhibiteur non compétitif **ne change pas** la K_m
- K. L'inhibition compétitive est caractérisée par **la stabilité de** la concentration maximale de ES
- L. L'inhibition incompétitive est caractérisée par une **augmentation** de l'affinité de E pour S

Correction : la régulation de l'activité enzymatique : 2,5 pts :

E1 : **activation allostérique**

E2 : **activation par protéolyse limitée**

E3 : **activation par phosphorylation**



E_A : **Kinase**

E_B : **Phosphatase**